

Schema: Časovni načrt izvedbe projekta (1.11.2018–31.10.2020)	18	2019				2020				Rok
	4	1	2	3	4	1	2	3	4	
1. faza (1.11.2018–31.10.2019): DS1 + DS2										
1.A. Epizootiološko poizvedovanje (DSZVČ–NVI, IPDRČ–VF, MB–NVI, IMP–VF)										31/10/19
(i) priprava anketnega vprašalnika za čebelarje										
(ii) vzpostavitev podatkovne baze izolatov <i>P. larvae</i> (Excel)										
(iii) odvzem vzorcev v okuženih čebelarstvih v letu 2019 in vnos v obstoječe baze										
1.B. Izolacija povzročitelja <i>P. larvae</i> (IMP–VF, MB–NVI, NG–NVI)										31/10/19
(i) mikroskopska preiskava vzorcev odvzete zalege										
(ii) izolacija <i>P. larvae</i> iz vzorcev zalege / kliničnih vzorcev ter vzorcev medu										
(iii) fenotipska identifikacija izolatov do vrste										
1.C. Vpeljava metode MALDI-TOF za identifikacijo povzročitelja <i>P. larvae</i> (IMP–VF)										31/10/19
(i) validacija metode s standardnimi referenčnimi sevi										
(ii) identifikacija vseh izolatov do vrste z metodo MALDI-TOF ter shranjevanje profilov										
1.D. Shranjevanje izolatov v interni zbirki (–70°C) (IMP–VF)										31/10/19
2. faza (1.1.2019–31.10.2019): DS3										
2.A. Molekularna tipizacija izolatov <i>P. larvae</i> z metodo ERIC-PCR (IMP–VF, MB–NVI)										31/10/19
(i) vpeljava metode ERIC-PCR za genotipizacijo izolatov										
(ii) genotipizacija izolatov <i>P. larvae</i> za določanje tipa ERIC										
2.B. qPCR in dPCR za kvantifikacijo <i>P. larvae</i> v medu (IMP–VF, IPDRČ–VF, MB–NVI)										31/10/19
(i) priprava 'testa <i>P. larvae</i> qPCR'										
(ii) priprava sedimenta iz vzorcev medu in genomske DNA iz spor <i>P. larvae</i>										
(iii) vpeljava metode dPCR										
(iv) priprava redčitvene vrste za izdelavo umeritvene krivulje in validacija metode qPCR										
(v) kvantifikacija izbranih vzorcev medu z metodo qPCR										
(vi) proučitev napovedne vrednosti kvantifikacije spor v medu										
3. faza (1.10.2019–31.7.2020): DS3										
3.A. Molekularna tipizacija WGS izbranih izolatov <i>P. larvae</i> (IMP–VF, IPDRČ–VF, MB–NVI)										29/2/20
(i) izbor izolatov <i>P. larvae</i> za genotipizacijo WGS										
(ii) priprava DNA iz izbranih izolatov <i>P. larvae</i> za genotipizacijo WGS										
(iii) sekvenciranje WGS										
3.B. Bioinformacijska obdelava rezultatov WGS (IMP–VF)										31/5/20
3.C. Analiza rezultatov (vsi sodelujoči na projektu)										31/7/20
(i) pregled zastopanosti posameznih genotipov ERIC v Sloveniji in njihov klinični pomen										
(ii) primerjava rezultatov genotipizacijskih metod										
(iii) pregled izbruhov AFB z vsemi pridruženimi rezultati										
4. faza (1.7.2020–31.10.2020): DS4 (vsi sodelujoči na projektu)										
4.A. posodobitev priporočil za omejitev širjenja AFB										31/10/20
(i) ugotoviti ustreznost kužnega kroga in predlagati morebitne spremembe pravilnika										
(ii) pripraviti priporočila glede ukrepov pri pojavu AFB										
(iii) posodobiti shemo za redni monitoring medu										
4.B. predstavitev rezultatov za širšo strokovno in laično javnost										31/10/20
4.C. objava rezultatov v obliki prispevkov v znanstveni in strokovni literaturi										31/10/20
Vodenje projekta (VF-IMP)										
sestaneq projektne skupine										
fazno poročanje (delovni sestaneq z vsebinskim spremljevalcem in skrbnikom pogodbe)										

Vodja projekta:
Darja Kušar

Vsebinski spremljevalec projekta:
Marko Potočnik